

SEQUENCE LISTING

(110) Beijing Institute for Cancer Research

(120) A method for in vitro detection of malignant potential of dysplasia and artificial nucleotide sequences used therein

(130) CNB1U03000217

(160) 4

(210) 1

(211) 359

(212) DNA

(213) Artificial sequence

(400) 1

agaggagggg UtggUtggU aUUagagggt ggggCggaUC gCgtgCgUtC ggCggUtgCg 60
gagaggggga gagUaggUag CgggCggCgg ggagUagUat ggagUCggCg gCggggagUa 120
gUatggagUU ttCggUtgaU tggUtggUUa CggUCgCggU UcggggtCgg gtagaggagg 180
tgCgggCgUt gUtgaggCg ggggCgUtgU UUaaCgUaUC gaatagttaC ggtCggaggU 240
CgttUUaggt gggtagaggg tUtgUagCgg gagUagggga tggCgggCga UtUtgaggaa 300
CgaagtttgU aggggaattt gaatUaggta gCgUttCgat tUUCggaaa aaggggagg 359

(210) 2

(211) 359

(212) DNA

(213) Artificial sequence

(400) 2

agaggagggg UtggUtggU aUUagagggt ggggUggaUU gUgtgUgUtU ggUggUtgUg 60
gagaggggga gagUaggUag UgggUggUgg ggagUagUat ggagUUggUg gUggggagUa 120
gUatggagUU ttUggUtgaU tggUtggUUa UggUUgUggU UUgggggtUgg gtagaggagg 180
tgUgggUgUt gUtgaggUg ggggUgUtgU UUaaUgUaUU gaatagttaU ggtUggaggU 240

UgatUUaggt gggtagaggg tUtgUagUgg gagUagggga tggUgggUga UtUtgaggga 300
UgaagtttgU aggggaatttgaatUaggtt gUgUttUgat tUtUUggaaa aagggggagg 359

(210) 3

(211) 359

(212) DNA

(213) Artificial sequence

(400) 3

UUtUUUUUttt ttUCggagaa tCgaagCgUt aUUtgattUU aattUUUUtg
UaaaUttCgt 60

UutUUagagt CgUUCgUUat UUUUtgUtUU CgUtgUagaU UUtUtaUUUa
UUtgatCgg 120

UutUCgaUCg taaUtattCg gtgCgttggg UagCgUUUUC gUUtUUagUa
gCgUUUCgUaU 180

UtUUtUtaUU CgaUUUCggg UCgCggUCgt ggUUagUUag tUagUCgaag
gUtUUatgUt 240

gUtUUUCgUC gUCggUtUUa tgUtgUtUUU CgUCgUUUCgU tgUUtgUtUt
UUUUUttUUC 300

gUagUCgUCg agCgUaCgCg gtUCgUUUa UUUtUtggtg aUUagUUagU
UUUttUUUtt 359

(210) 4

(211) 359

(212) DNA

(213) Artificial sequence

(400) 4

UUtUUUUttt ttUUUggagaa tUgaagUgUt aUUtgattUU aattUUUUtg UaaaUttUgt 60
UutUUagagt UggUUUgUUat UUUUtgUtUU UggUtgUagaU UUtUtaUUUa UUtgatUgg
120

UutUUgaU^Ug taaUtattUg gtgUgtggg UagUgUUUUU gUUtUUagUa gUgUUUgUaU
180

U^tUUtUtaUU UgaUUUCggg UUgUggUUgt ggUUagUUag tUagUUgaag gUtUUatgUt
240

gUtUUUUgUU gUUggUtUUa tgUtgUtUUU UgUUgUUUgU tgUUtgUtUt
UUUUUUtUUU 300

gUagUUgUUg agUgUaUgUg gtUUgUUUUa UUUtUtggtg aUUagUUagU UUUtUUtUt
359